

ایران کنفرانس

ایجاد رشته دکتری بیوانفورماتیک در دانشگاه شهید بهشتی

رئیس انجمن بیوانفورماتیک ایران از تصویب و راه اندازی رشته بیوانفورماتیک در دانشگاه شهید بهشتی خبر داد و گفت: با توجه به دستاوردهای محققان در این زمینه چهارمین همایش بیوانفورماتیک را در روزهای 16 و 17 آبان ماه برگزار می شود.

دکتر بهرام گلیابی در گفتگو با خبرنگار مهر، با تأکید بر اینکه علم بیوانفورماتیک قابل کاربرد در کلیه حوزه های زیست شناسی است، افزود: محققان این حوزه علمی با استفاده از کامپیوتر و علوم ریاضی و آمار سعی می کنند تا اطلاعاتی در زمینه های ساختار مولکولی موجودات زنده، ژنوم و ساختار ژنهای آنها و اندر کنش میان ژنها به دست آورند.

رئیس انجمن بیوانفورماتیک ایران، این رشته علمی را در کشور جوان توصیف کرد و اظهار داشت: علی رغم جوان بودن این علم در کشور ولی توسعه مناسبی داشته است به گونه ای که با راه اندازی رشته دکتری بیوانفورماتیک در دانشگاه تهران اقدام به تربیت نیروهای انسانی در این زمینه شد. وی از تصویب این رشته در دانشگاه شهید بهشتی خبر داد و یادآور شد: اخیراً راه اندازی رشته دکتری بیوانفورماتیک در دانشگاه شهید بهشتی به تصویب رسیده است.

گلیابی با اشاره به تولید علمی در این حوزه، خاطر نشان کرد: بخشی از تحقیقاتی که در زمینه های شناسایی ژنها و پروتئین های جدید، ارتباط میان قسمتهای مختلفی مولکول DNA انسان، ارائه روشها و الگوریتم های نوین، کسب اطلاع درباره ساختمان پروتئین ها و اندرکنش میان مولکولهای کوچک و بزرگ مانند پروتئین ها و DNA از طریق علم بیوانفورماتیک محقق می شود.

وی به بیان کاربردهای این حوزه علمی در تولید دارو پرداخت و اضافه کرد: طراحی داروهایی که باید در گذشته در آزمایشگاه ها انجام می شد، با کمک این رشته می توان با استفاده از کامپیوتر انجام داد.

گلیابی از برگزاری چهارمین همایش بیوانفورماتیک ایران در روز 16 آبان ماه خبر داد و در این باره توضیح داد: این همایش در راستای فراهم آوردن فضایی مناسب برای بحث و تبادل نظر و انتقال تجربیات میان محققان و اطلاع از یافته های جدید در هر یک از حوزههای مرتبط با بیوانفورماتیک در روزهای 16 و 17 آبان ماه در پژوهشگاه ملی مهندسی ژنتیک و زیست فناوری برگزار خواهد شد.

دبیر همایش بیوانفورماتیک، ساختارهای ژنی و مولکولی، عملکرد و تکامل، سیستم های محاسباتی زیستی، انفورماتیک پزشکی و ترجمه بیوانفورماتیک و روشهای محاسباتی و بیوانفورماتیک بنیادی را از جمله موضوعات این همایش نام برد.